

高標準的準確度

步驟	準確度
基因測序 (DNA sequencing)	99.9%
基因變異辨認 - 單點變異 (Variant calling - SNP)	>99% *
基因變異辨認 - 插入缺失標記 (Variant calling - Indel)	>99% *

* 通過GenQA/UK NEQAS外部質量保證

分析基於當前對該基因變異的理解，隨著更多有關基因的可用信息，該變異可能會隨著時間而變化，並非所有變異都包含在此報告中

CodeX 科德施
GENETICS

關於科德施基因

科德施基因致力實踐精準醫療，通過人工智能的遺傳和臨床數據分析，為患者提供全面、臨床可靠的疾病管理解決方案。透過CoGenesis®基因檢測技術，我們加快神經退化性疾疾病診斷流程、協助治療癌症、管理疾病和提供藥物基因建議。

✉ support@codexgenetics.com

☎ 3008 2560 🌐 www.codexgenetics.com

📍 香港沙田科學園科技大道西16號16W220室

進入網站：



免費聲明：

科德施基因提供的報告和臨床註釋僅供醫療專業人員使用，並不構成科德施基因的醫療建議。此報告中顯示的檢測結果需要相關領域的專業人員作臨床詮釋。在作出有關醫療決策之前或開始和停止任何治療之前，請諮詢合資格的醫療專業人員。治療提供者應最終負責所有診斷和治療。

隱私和數據使用說明：

科德施所使用的平台遵循「健康保險攜帶和責任法案 (HIPAA)」指南，包括保護如診斷數據、臨床數據、實驗室結果等健康資訊。您所有的數據都會被仔細管理，除被授權人士外任何人都無法訪問。在任何網絡存取和傳輸過程中，數據都保證加密。更多資訊，請瀏覽<https://www.codexgenetics.com/privacy-policy.html>

認識遺傳性胃癌



約2%至5%的胃癌具有遺傳性¹



帶有胃癌基因突變或可導致患胃癌風險提升至80%



如有1位近親患上胃癌，您的胃癌發病率比普通高3倍²



CoGenesis® Gastric 遺傳性胃癌基因檢測

評估您一生中患上胃癌的風險水平

CodeX 科德施
GENETICS

1. Lott PC, Carvajal-Carmona LG. Resolving gastric cancer aetiology: an update in genetic predisposition. Lancet Gastroenterol Hepatol. 2018;3(12):874-883. doi:10.1016/S2468-1253(18)30237-1
2. Yaghoobi M, Bijarchi R, Narod SA. Family history and the risk of gastric cancer. Br J Cancer. 2010;102(2):237-242. doi:10.1038/sj.bjc.6605380

“早期診斷有助提高
胃癌存活率2倍。”³



CoGenesis® Gastric 遺傳性胃癌基因檢測

檢測涵蓋9個與遺傳性胃癌相關的基因：
CDH1, BMPR1A, EPCAM, MLH1, MSH2, MSH6, PMS2, SMAD4, STK11。CoGenesis®
Gastric基因檢測透過找出與胃癌有關的基
因變異，以評估您一生中會患上胃癌的風險
水平。

若您屬於高風險人群，該怎麼辦？

- 儘早開始胃癌篩檢測試
- 更頻繁地篩檢胃癌
- 密切注意自己是否有出現胃癌的症狀
- 了解有助於降低胃癌風險的選項

“若檢測到有胃癌相關的基因
變異，並不代表您一定會有大
腸癌，但您在一生中患上胃癌
的機會比普通人高。”

3. Kaurah P, Huntsman DG. Hereditary Diffuse Gastric Cancer. 2002 Nov 4 [Updated 2018 Mar 22]. In: Adam MP, Ardinger HH, Pagon RA, et al., editors. GeneReviews® [Internet]. Seattle (WA): University of Washington, Seattle; 1993-2021. Available from: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK1139/>